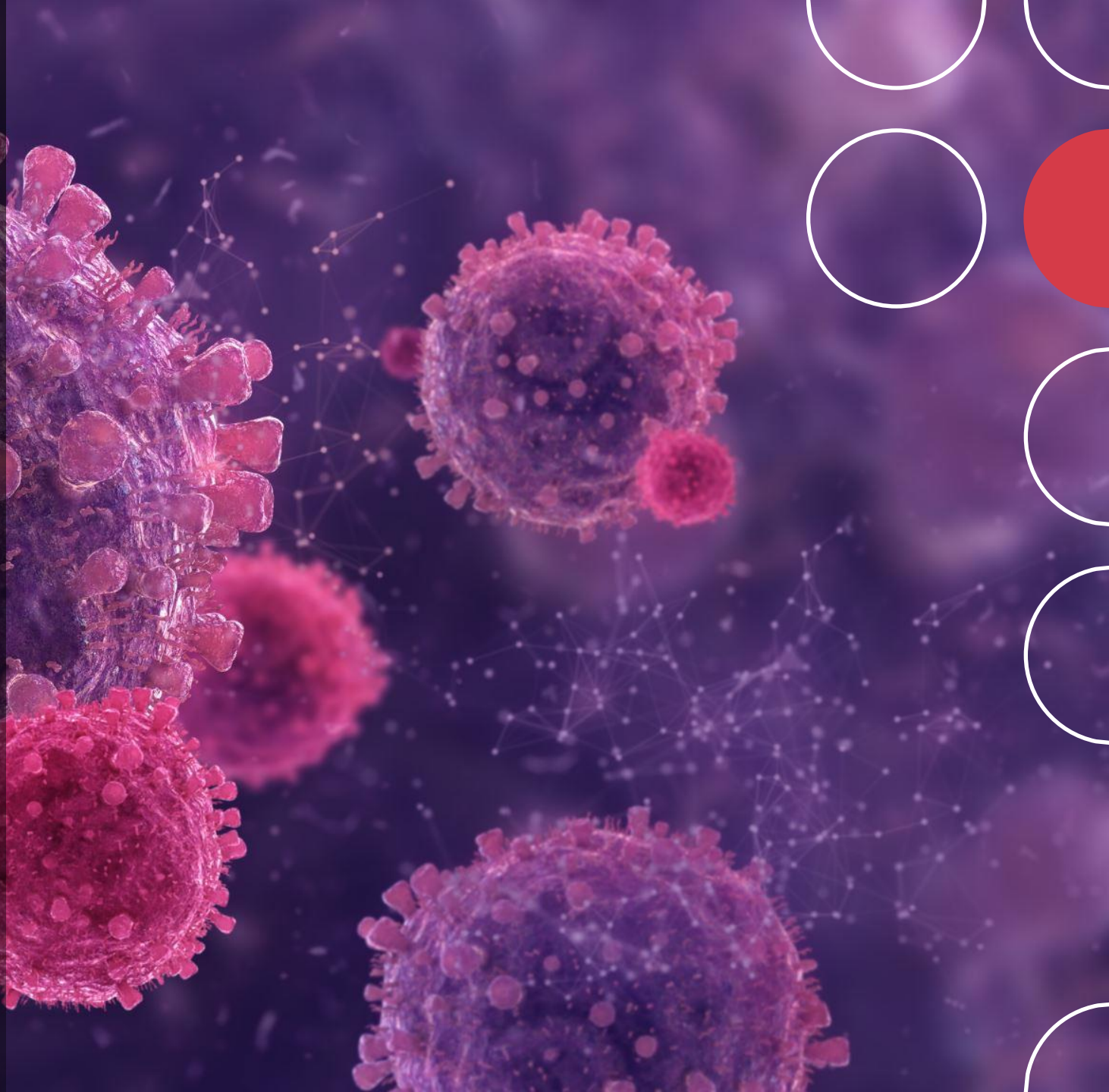


Modelowanie epidemii



Jak naukowcy wspomagają decyzje rządu?

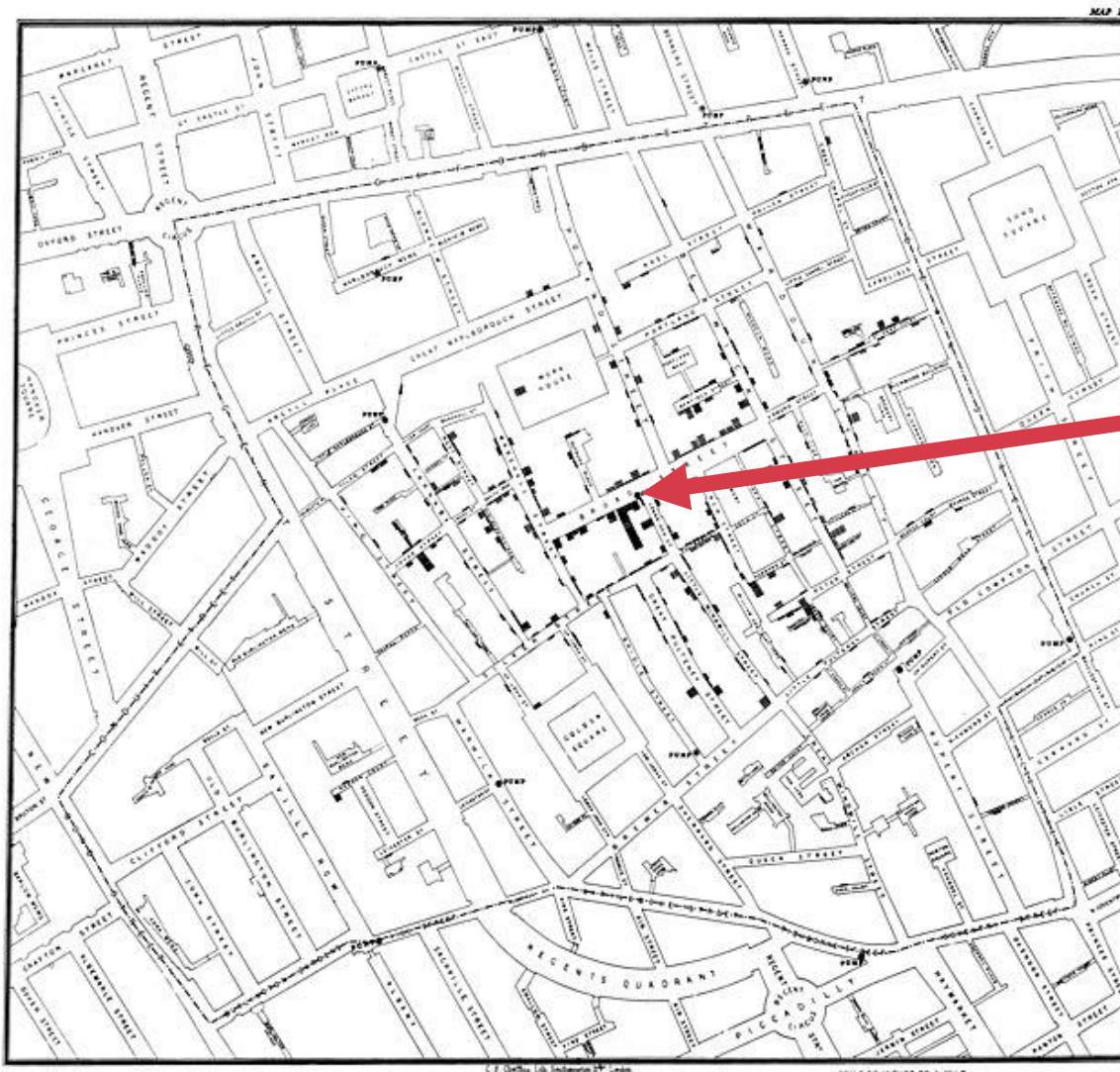


Prof. Chris Whitty
(Chief Medical Officer)

Boris Johnson
(Prime Minister)

Sir Patrick Vallance
(Chief Scientific Adviser)

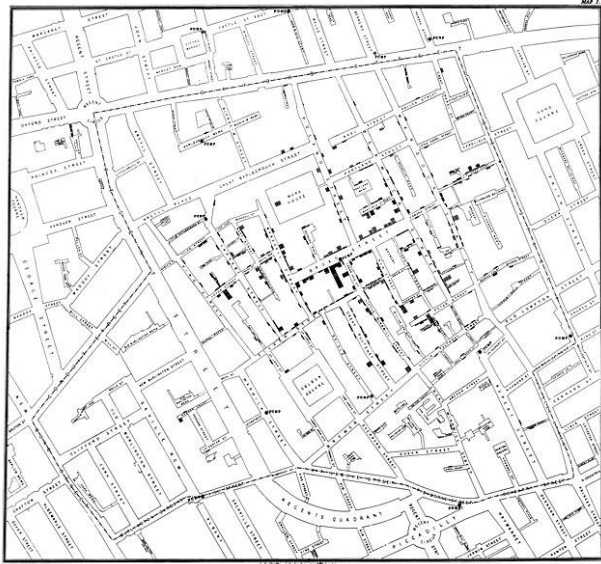
Źródło: <https://www.gov.uk/government/speeches/pm-statement-on-coronavirus-12-march-2020>



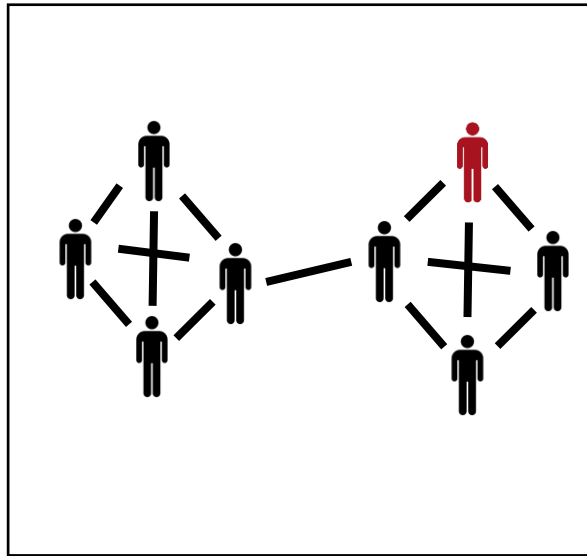
Mapa Londynu z zaznaczonymi miejscami zakażeń na cholere w Londynie w 1854 roku autorstwa Johna Snowa.

Różne podejścia do modelowania epidemii

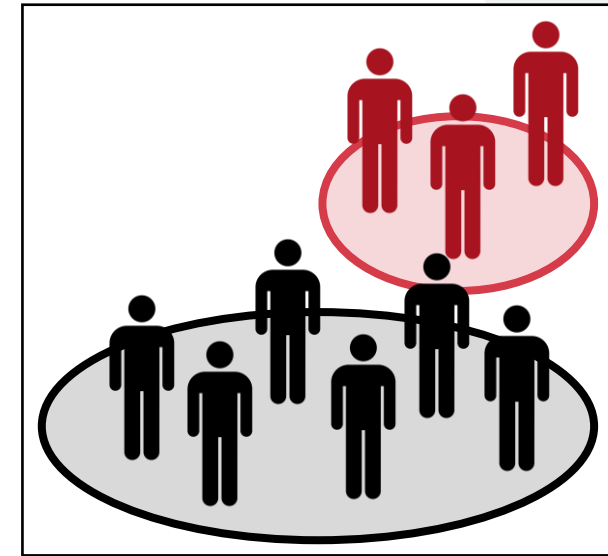
Modele
statystyczne/przestrzenne



Modele wieloagentowe /
sieciowe



Model przedziałowe



Konstrukcja modelu

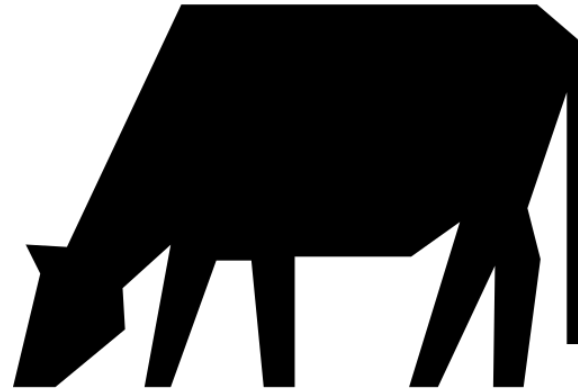
Rzeczywistość



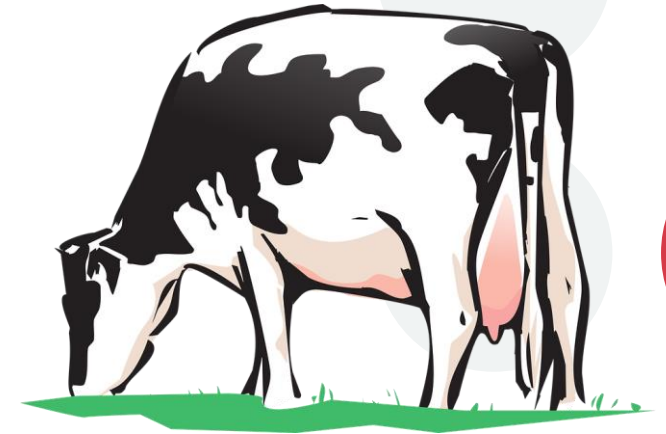
Prosty model



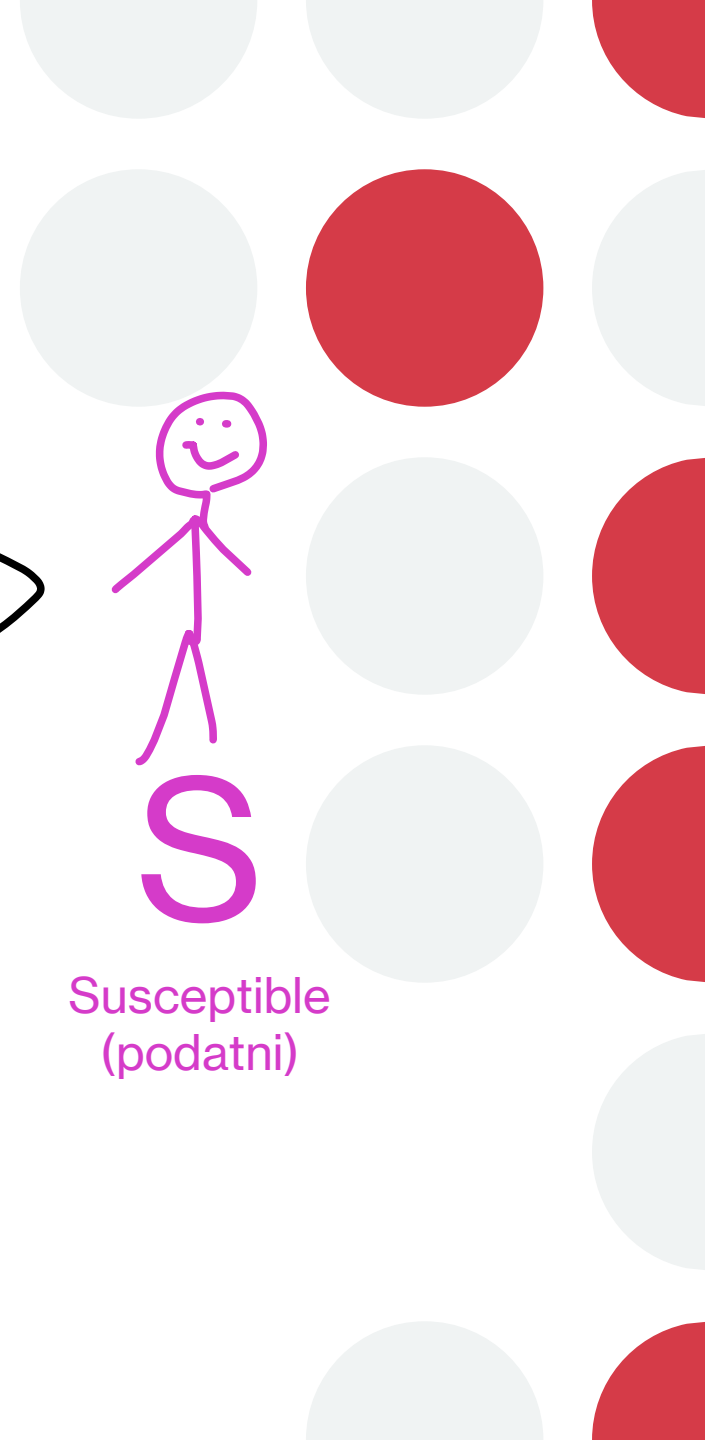
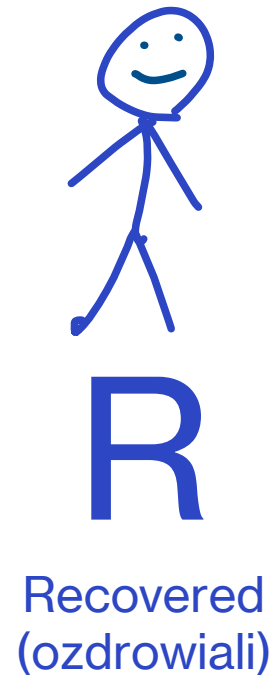
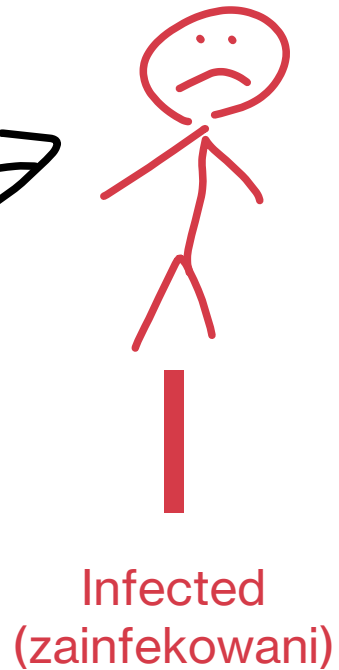
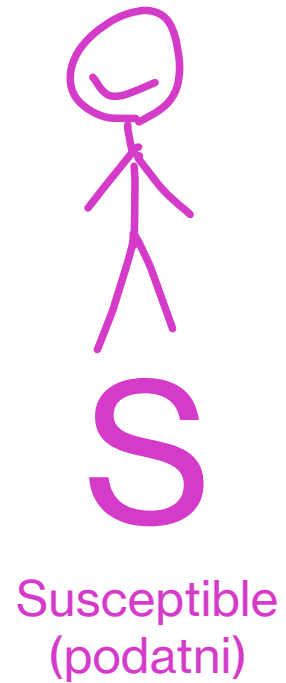
Rozbudowany model

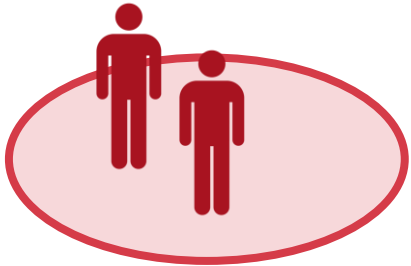
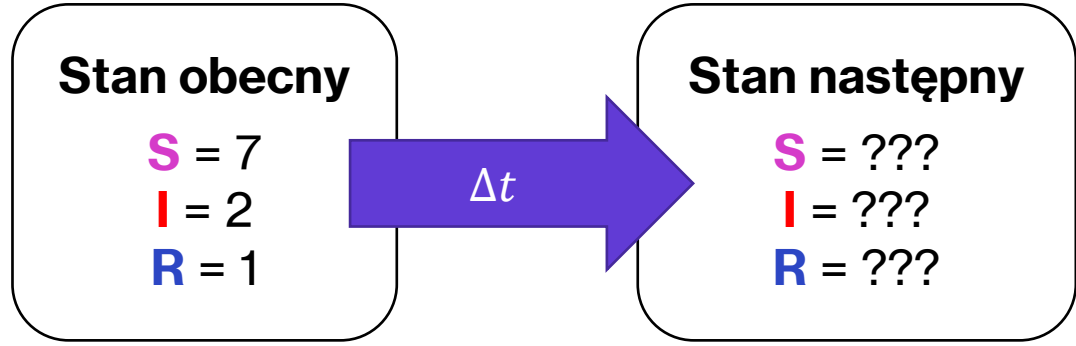


Author: Luis Prado

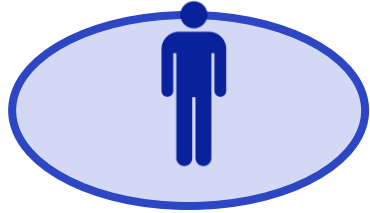


Model SIR i SIRS

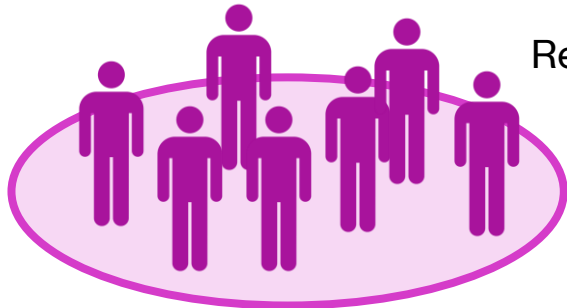




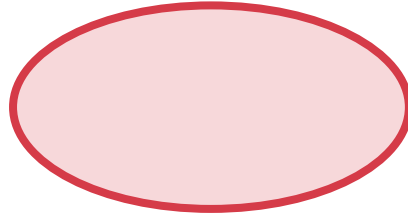
Infected (zainfekowani)



Recovered (ozdrowiali)



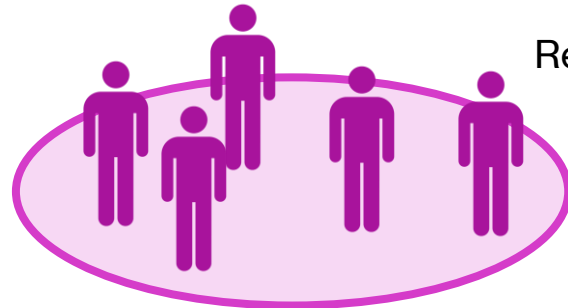
Susceptible (podatni)



Infected (zainfekowani)



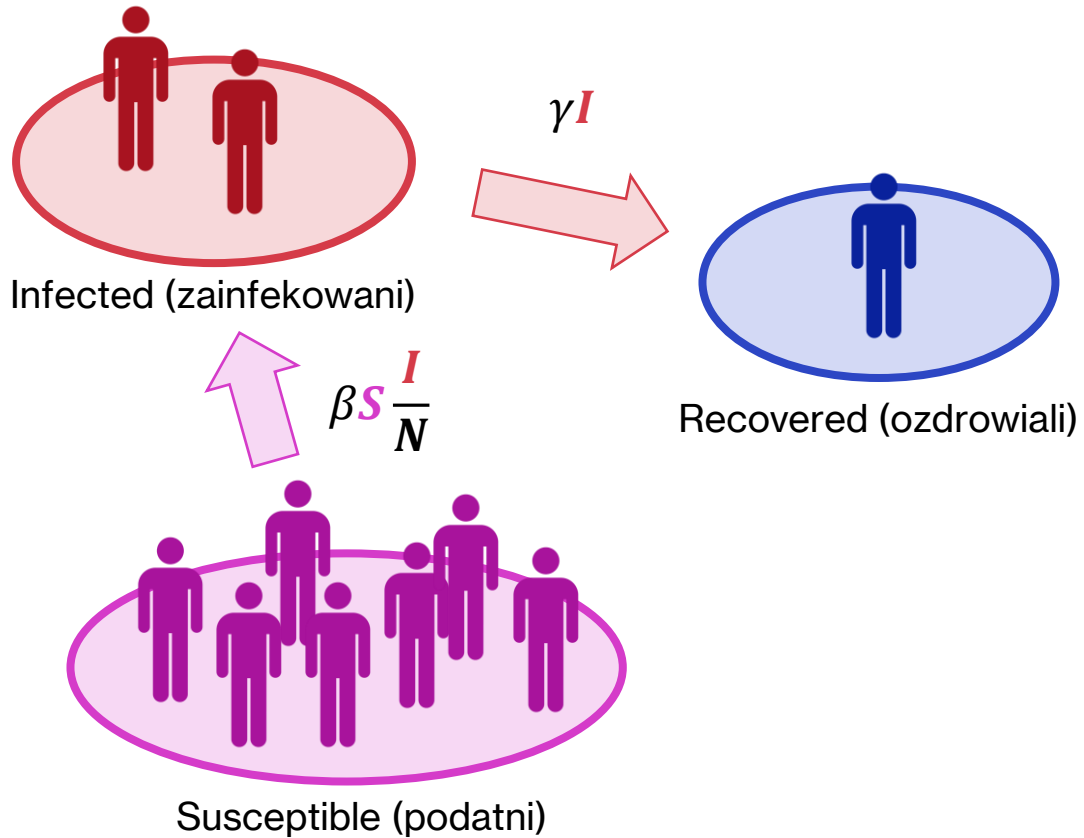
Recovered (ozdrowiali)



Susceptible (podatni)



Model SIR

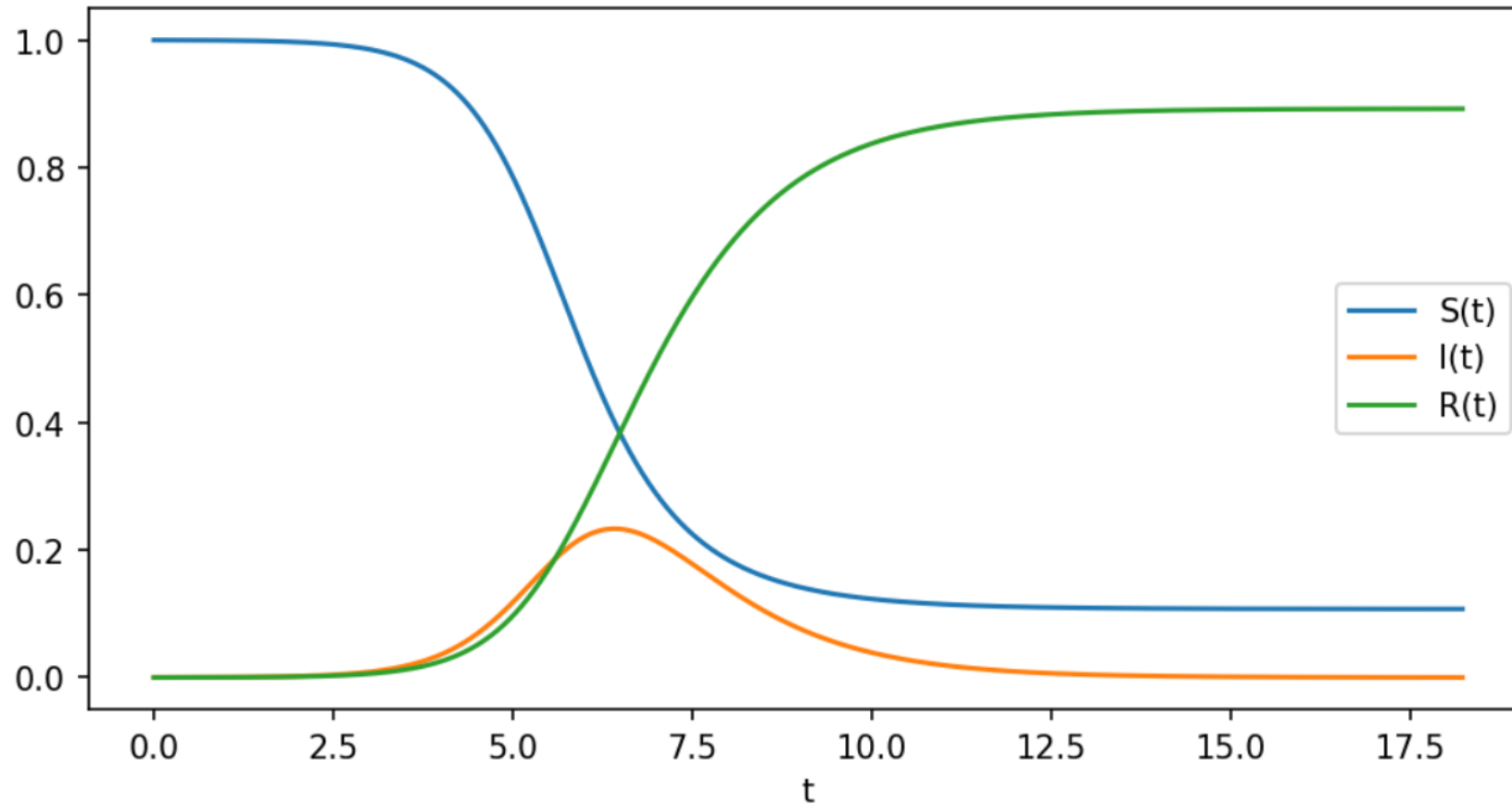


$$\frac{dS}{dt} = -\beta S \frac{I}{N}$$

$$\frac{dI}{dt} = \beta S \frac{I}{N} - \gamma I$$

$$\frac{dR}{dt} = \gamma I$$

Przykładowe rozwiązanie



**Jak szybko
rozchodzi się
epidemia?**



Rozwiązanie we wczesnej fazie epidemii

$$\frac{dS}{dt} = -\beta S \frac{I}{N}$$

$$\frac{dI}{dt} = \beta S \frac{I}{N} - \gamma I$$

$$\frac{dR}{dt} = \gamma I$$

We wczesnej fazie epidemii mamy bardzo mało osób chorych w porównaniu do całej populacji. Zatem przyjmijmy $\frac{S}{N} \approx 1$

$$\frac{dI}{dt} = \beta S \frac{I}{N} - \gamma I = \beta I \frac{S}{N} - \gamma I$$

$$\approx \beta I - \gamma I = (\beta - \gamma)I$$

Rozwiązaniem równania jest:

$$I(t) = I_0 e^{(\beta - \gamma)t}$$

Z wykładu 4:
Rozwiązaniem równania

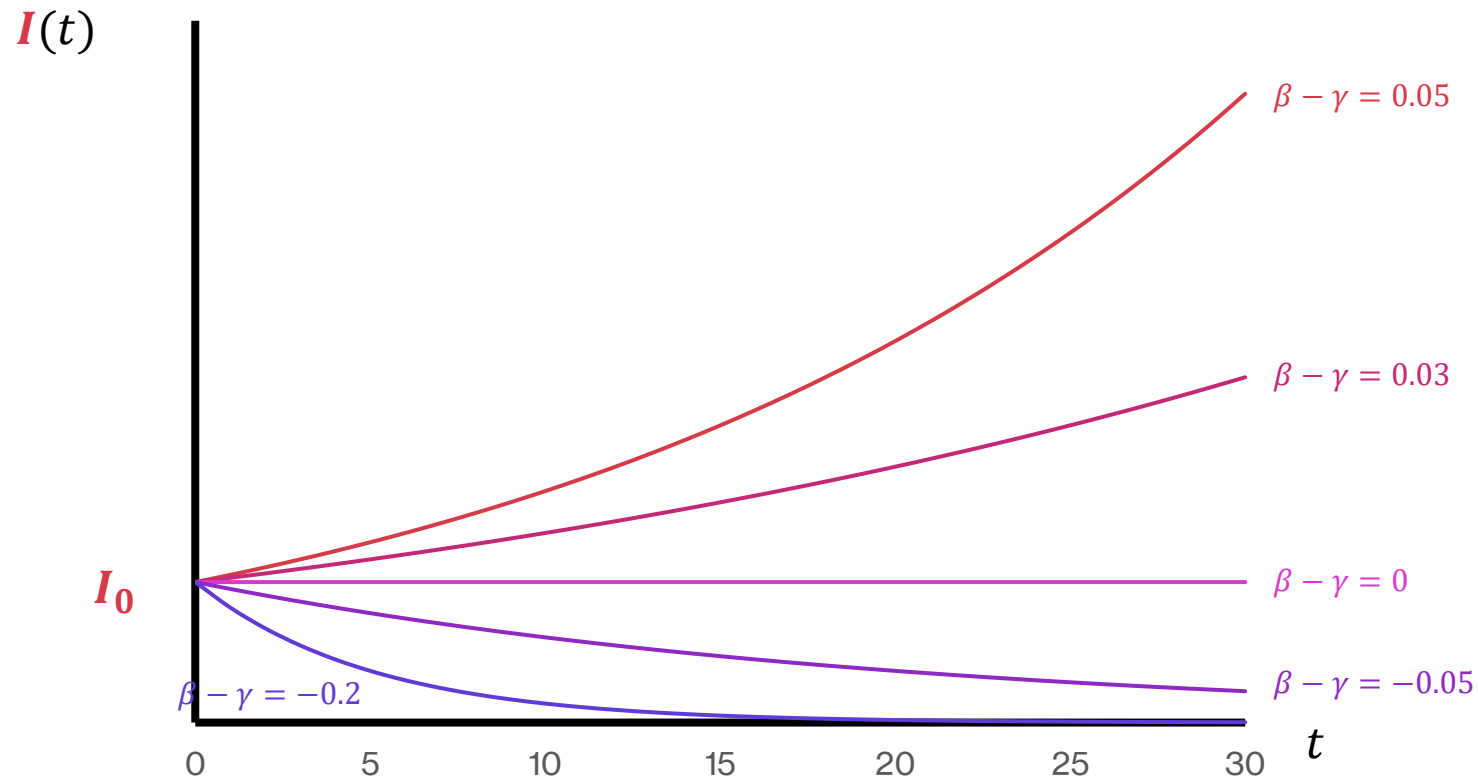
$$\frac{dn}{dt} = k \cdot n$$

jest

$$n(t) = n_0 e^{kt}$$

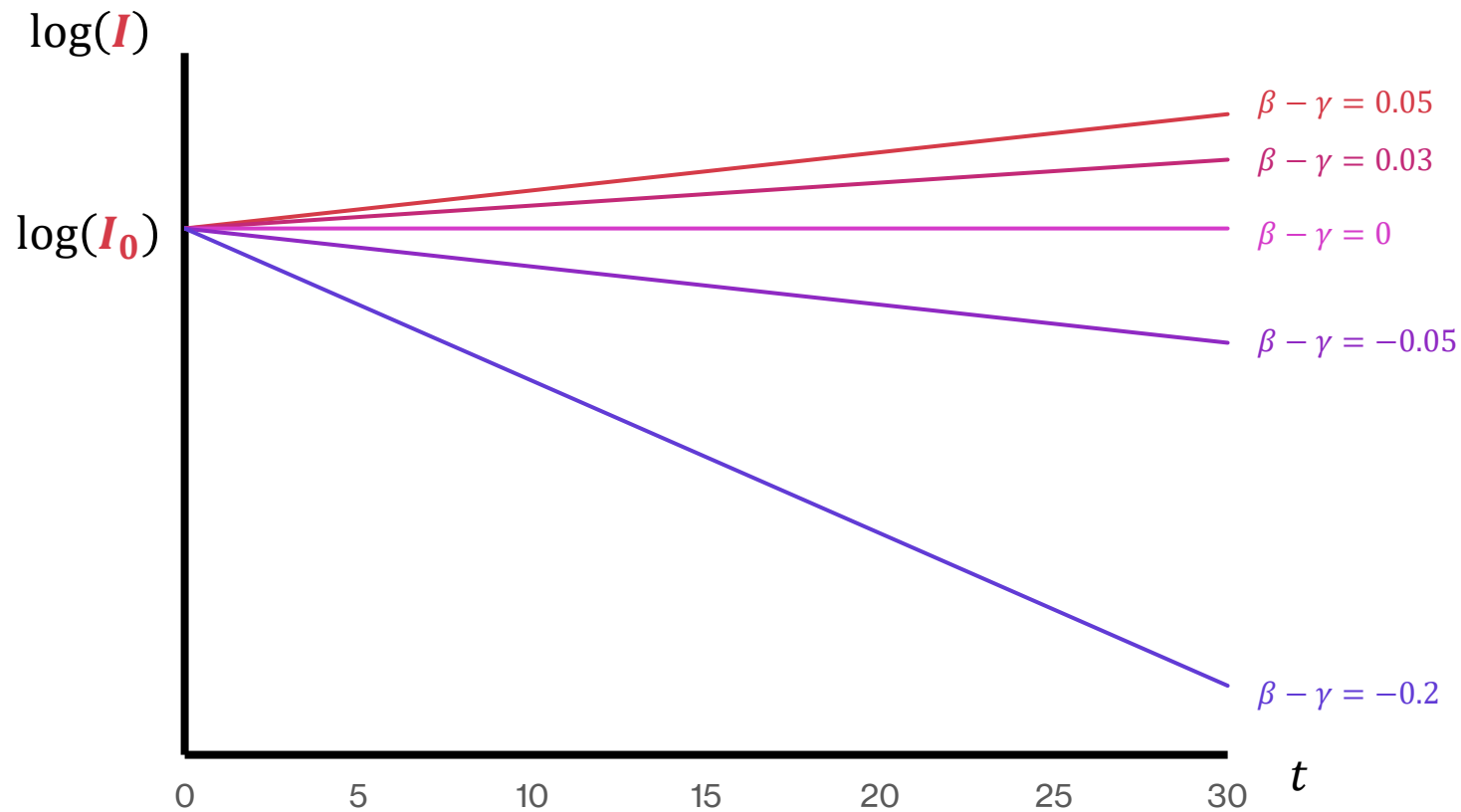


Rozwiązanie we wczesnej fazie epidemii



$$I(t) = I_0 e^{(\beta - \gamma)t}$$

Rozwiązanie we wczesnej fazie epidemii



$$I(t) = I_0 e^{(\beta - \gamma)t}$$

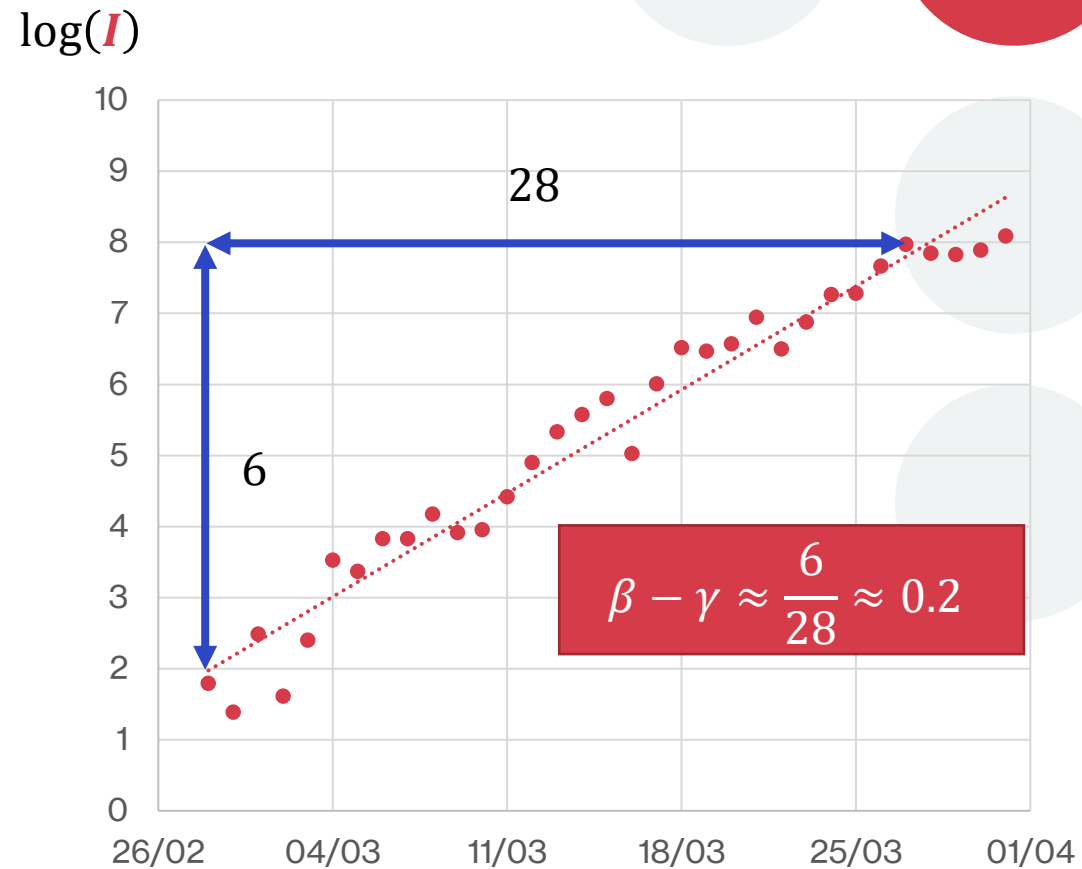
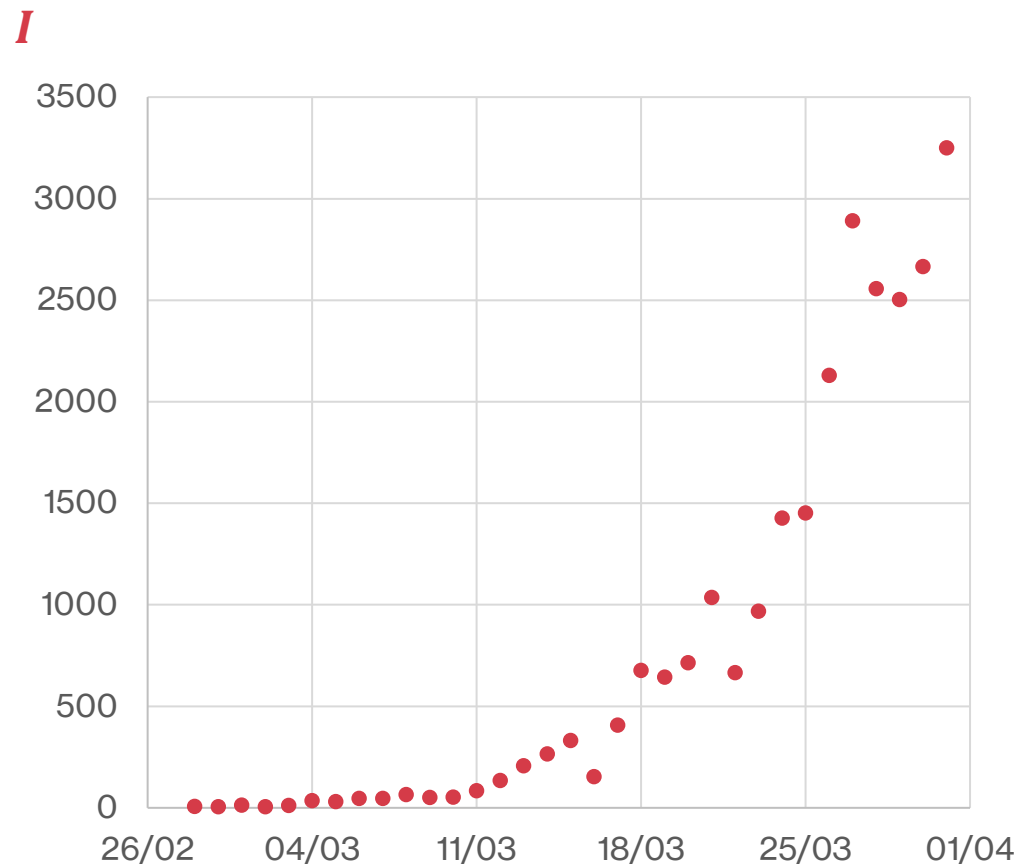
$$\log(I) = \log(I_0 e^{(\beta - \gamma)t})$$

$$\log(I) = \log(I_0) + \log(e^{(\beta - \gamma)t})$$

$$\log(I) = \log(I_0) + (\beta - \gamma)t$$

Parametr $\beta - \gamma$ możemy oszacować sprawdzając współczynnik kierunkowy.

Oszacujmy parametr wzrostu



**Jak będzie
epidemia dalej
się rozwijać?**



Jaki jest stan stacjonarny?

$$\frac{dS}{dt} = -\beta S \frac{I}{N}$$

$$\frac{dI}{dt} = \beta S \frac{I}{N} - \gamma I$$

$$\frac{dR}{dt} = \gamma I$$

Ze stanem stacjonarnym mamy do czynienia kiedy

$$\frac{dS}{dt} = 0 \quad \frac{dI}{dt} = 0 \quad \frac{dR}{dt} = 0$$

Co możemy powiedzieć o wartości S , I oraz R w stanie stacjonarnym?

Odpowiedź: W stanie stacjonarnym $I = 0$.
Wartości S i R mogą być dowolne.

Liczba reprodukcyjna

Kiedy liczba osób zainfekowanych będzie ubywać?

$$\frac{dS}{dt} = -\beta S \frac{I}{N}$$

$$\frac{dI}{dt} = \beta S \frac{I}{N} - \gamma I$$

$$\frac{dR}{dt} = \gamma I$$

$$\frac{dI}{dt} = \beta S \frac{I}{N} - \gamma I < 0$$

$$\beta \frac{S}{N} - \gamma < 0$$

$$\beta \frac{S}{N} < \gamma$$

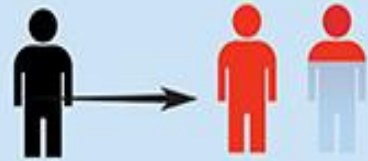
$$\frac{\beta S}{\gamma N} < 1$$

Liczba reprodukcyjna R_0 określa ile osób średnio zostaje zainfekowanych przez jednego zarażonego w populacji z przeważającą liczbą osób zdrowych:

$$R_0 = \frac{\beta}{\gamma}$$

HOW CONTAGIOUS IS COVID-19?

COMMON FLU
(GRYPA
SEZONOWA)



1.3 R_0

COVID-19



2 - 3 R_0

MEASLES
(ODRA)



15 - 18 R_0



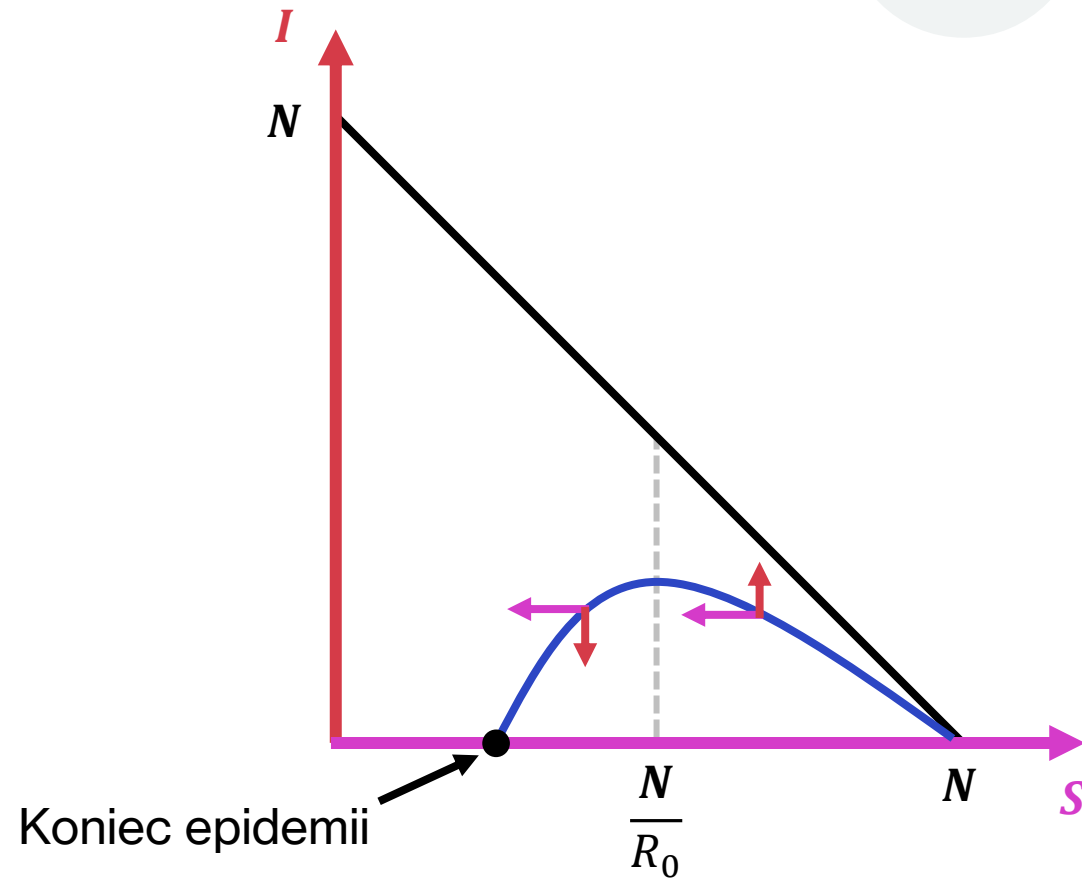
Diagram fazowy

Pokazaliśmy już, że liczba osób zainfekowanych maleje kiedy:

$$R_0 \frac{S}{N} < 1$$

Czyli kiedy:

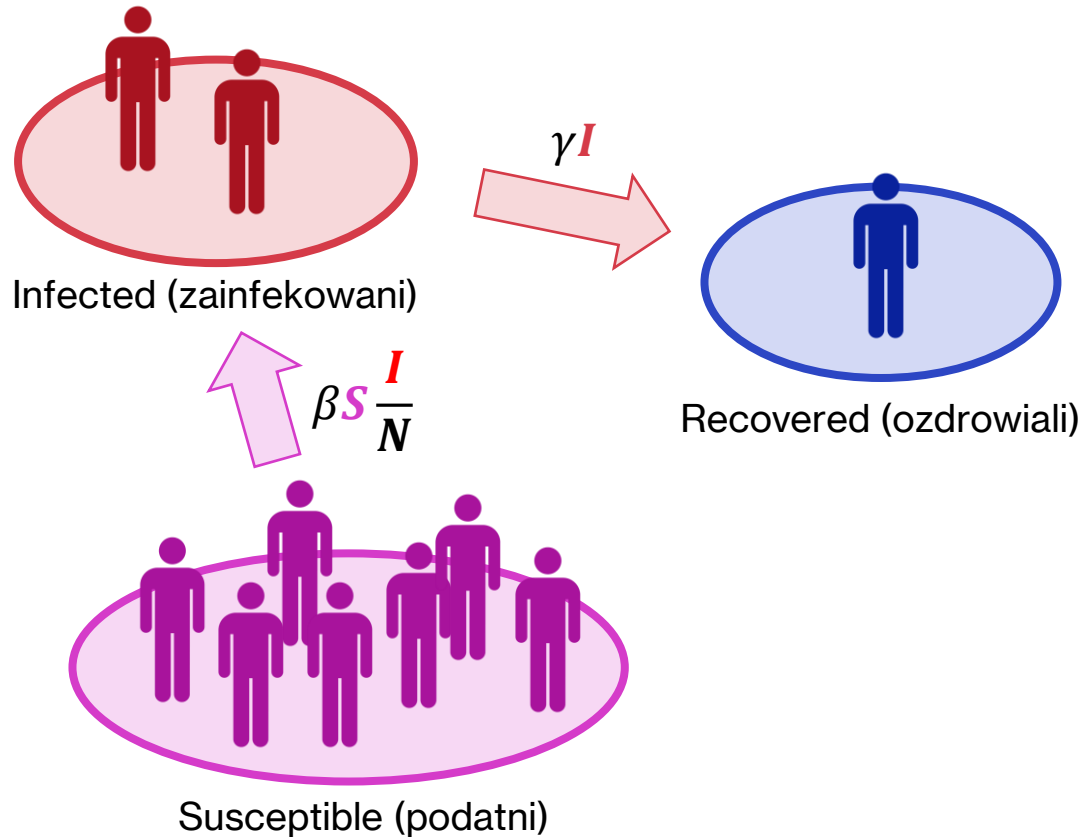
$$S < \frac{N}{R_0}$$



Jak można powstrzymać epidemię?



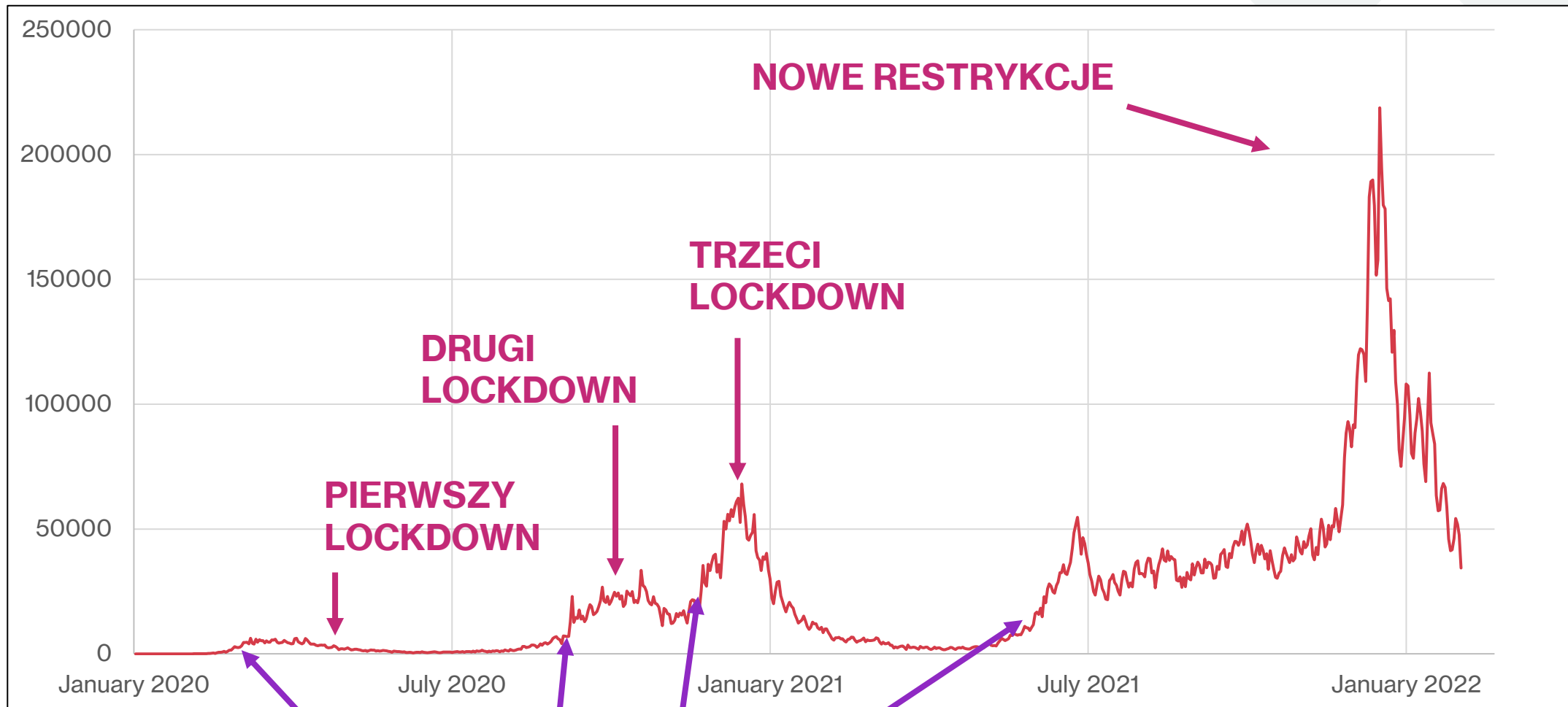
Sposób 1: restrykcje



Parametr β jest proporcjonalny do:

- liczby osób, z którymi się kontaktujemy,
- częstotliwości z jaką się kontaktujemy z daną osobą,
- prawdopodobieństwa, że zostaniemy zainfekowani podczas kontaktu z chorą osobą.





WZROST WYKLADNICZY

Sposób 2: Szczepienia

Ile osób musi zostać uodpornionych, żeby powstrzymać pandemię?

$$\frac{\beta S}{\gamma N} < 1$$

Stała $R_0 = \frac{\beta}{\gamma}$ jest równa około 2-3. Weźmy $R_0 = 2.5$

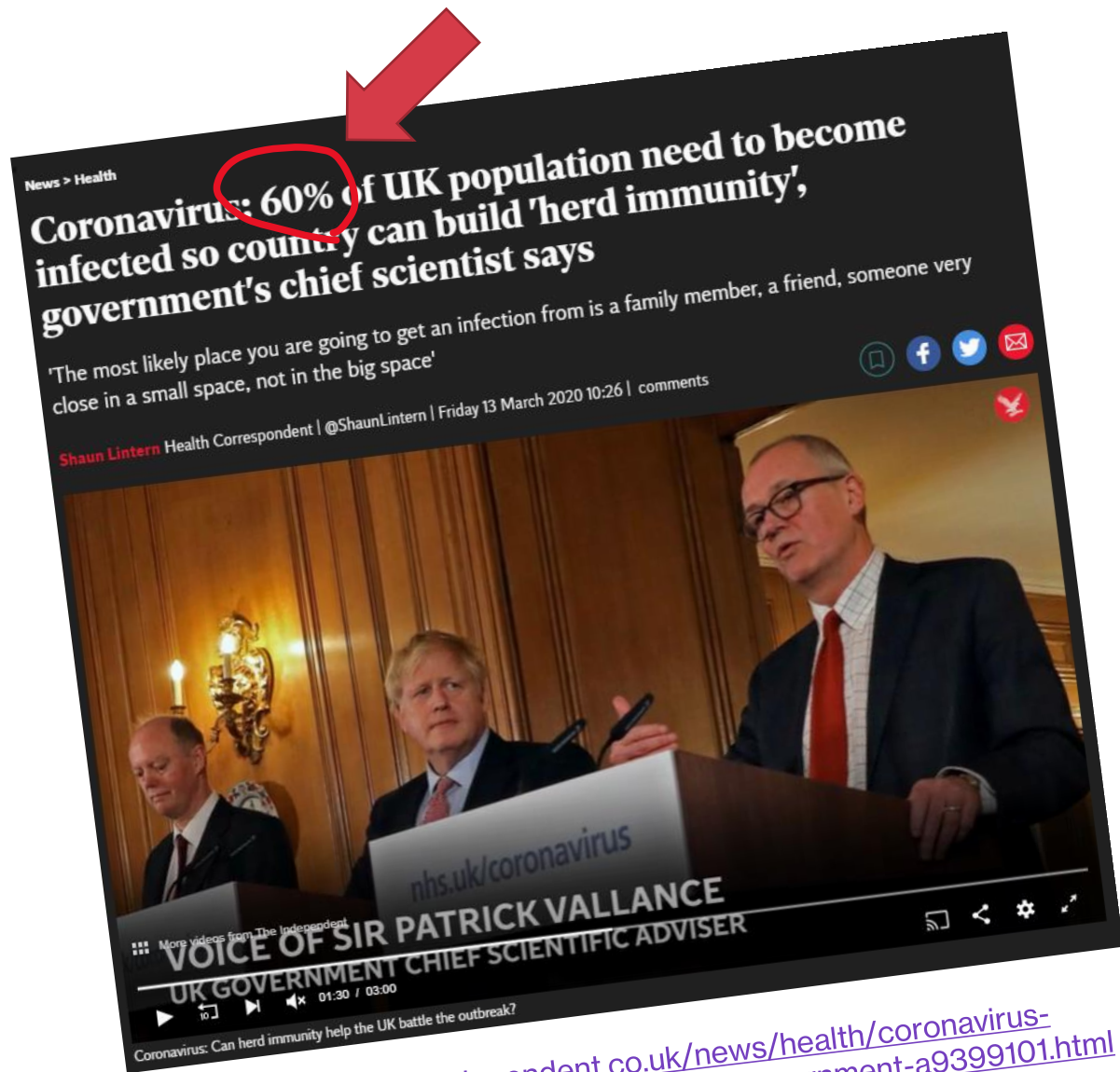
$$2.5 \frac{S}{N} < 1$$

$$\frac{S}{N} < \frac{1}{2.5} = 40\%$$

Musimy zatem uodpornić 60% populacji.



Photo © Alex Gakos / Shutterstock.com



Źródło: <https://www.independent.co.uk/news/health/coronavirus-herd-immunity-uk-nhs-outbreak-pandemic-government-a9399101.html>

Tim Spector OBE, lead scientist on the ZOE COVID Symptom Study app and Professor of Genetic Epidemiology at King's College London, comments on the latest data:

"As the UK slowly exits lockdown, I'm encouraged to see COVID cases continue to fall with our rates among the lowest in Europe. In fact, the UK closely mirrors cases in Israel with its exemplar vaccine programme. Based on our data and countries like Israel, I believe the fall in cases since January is mainly thanks to the vaccination programme and less about the strict lockdown the UK has been under since late December. With up to 60% of the population vaccinated and around 5-10% with natural immunity due to infection, we're starting to see herd immunity take effect. This should prevent future large-scale outbreaks. However, we do expect to see smaller, manageable outbreaks in the coming weeks and months among groups which are yet to be vaccinated."

Źródło: <https://covid.joinzoe.com/post/is-the-uk-close-to-herd-immunity>

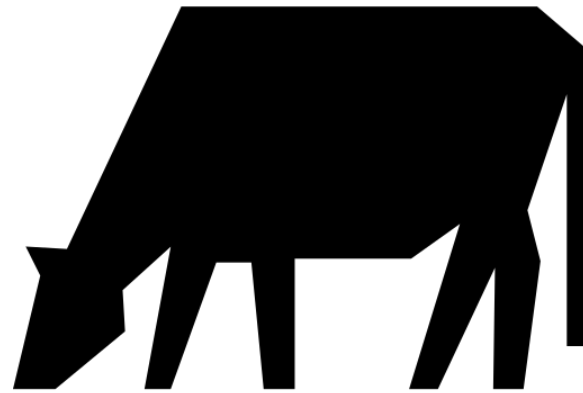
Rozbudowa modelu SIR



Rzeczywistość



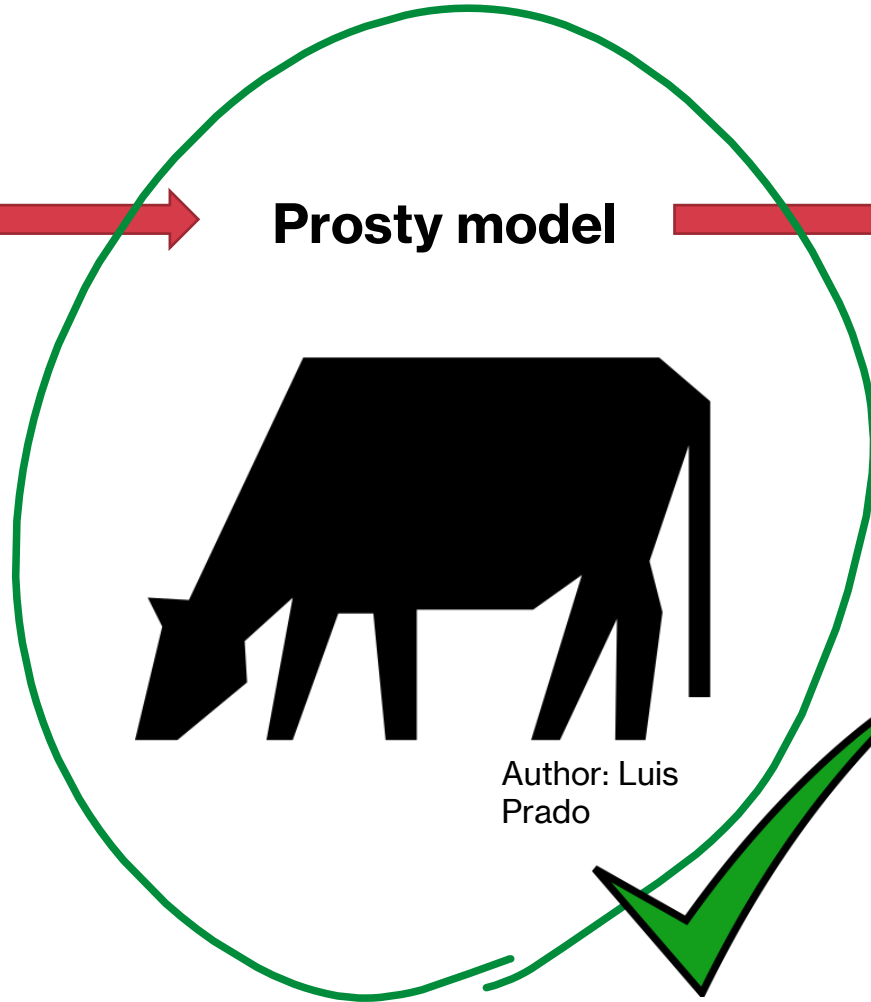
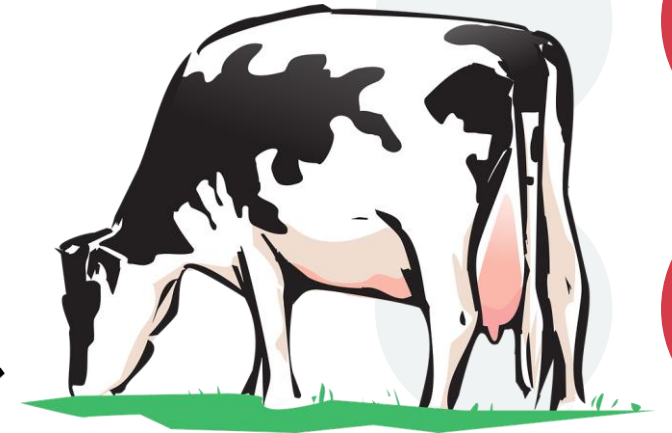
Prosty model



Author: Luis Prado



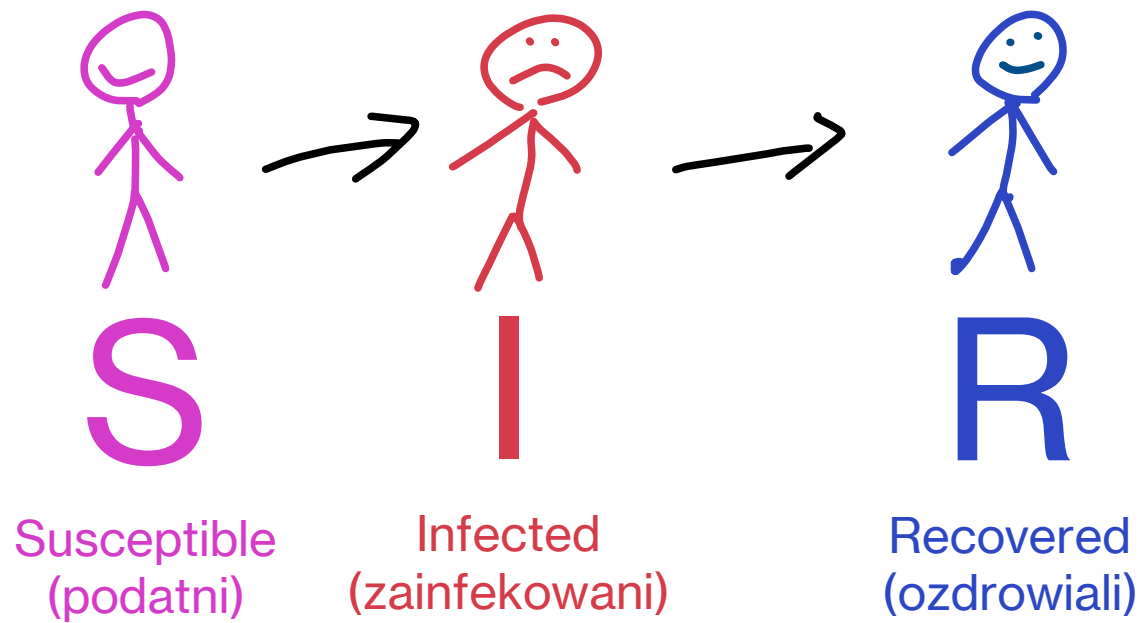
Rozbudowany model



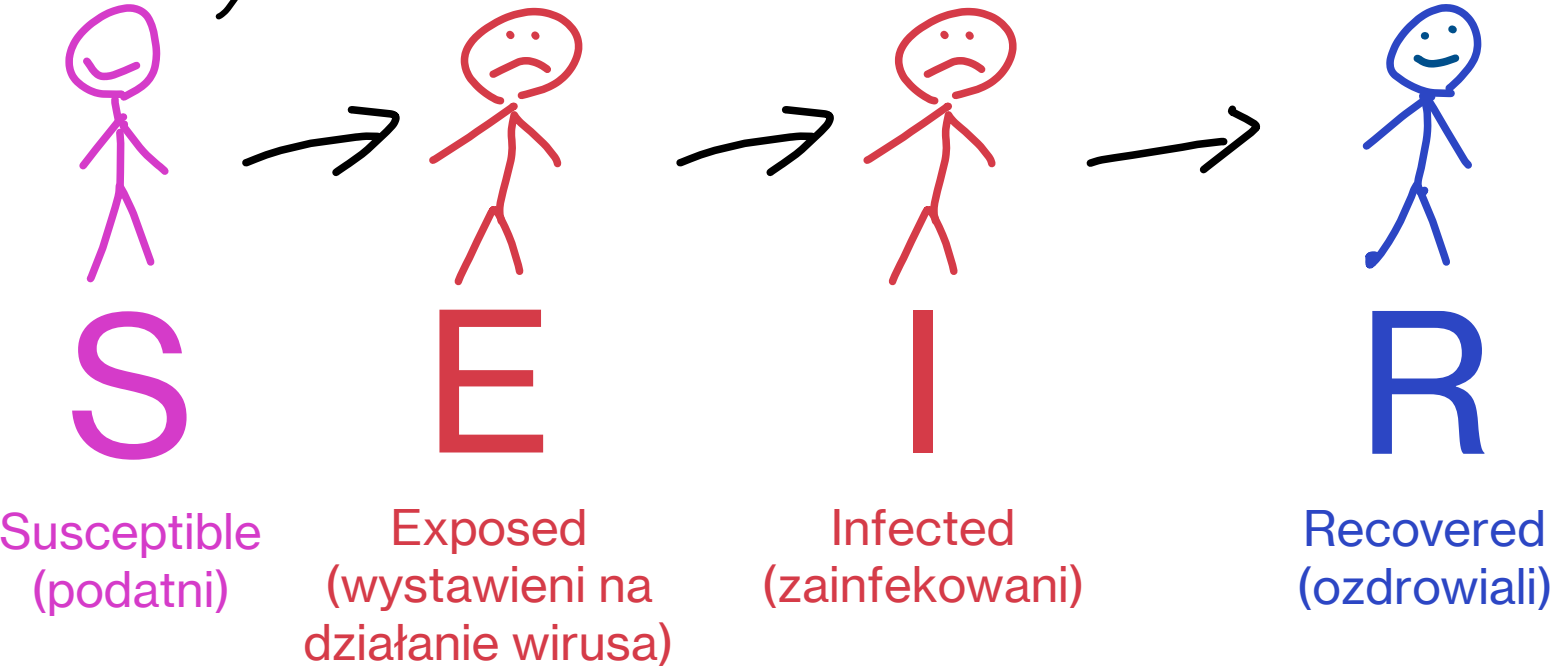
Uproszczenia zawarte w modelu SIR

1. Każdy osobnik populacji ma takie samo prawdopodobieństwo zarażenia się.
 2. Zakładamy, że zainfekowani mogą zarażać od momentu, kiedy zostaną zarażeni.
 3. Szansa na wyzdrowienie jest niezależna od długości infekcji.
 4. Nie uwzględniamy zmiany populacji w skutek narodzin i śmierci.
 5. Nie uwzględniamy uodporniania się populacji na skutek szczepień.
-

Rozbudowa modelu



Rozbudowa modelu



D
Deceased
(zmarli)



Podsumowanie

1. Układy dynamiczne pełnią bardzo ważną rolę w modelowaniu epidemii, np. model SIR.
2. Pozwala on oszacować szybkość rozchodzenia się epidemii oraz przeanalizować efekt różnych interwencji.
3. Nawet proste modele matematyczne pozwalają nam podejmować kluczowe decyzje w walce z epidemią koronawirusa.

